



بهینه‌سازی وزن‌های پیوندی در یک شبکهٔ مولد الگوی مرکزی چهار سلولی به منظور تولید گام‌های حرکتی دوپایی

سحر فرشباف رشیدی^۱، سید محمد رضا سید نورانی^{۲*}، مریم شعراون^۲

۱- دانشجوی کارشناسی ارشد، مهندسی مکاترونیک، دانشگاه تبریز، تبریز

۲- استادیار، مهندسی مکاترونیک، دانشگاه تبریز، تبریز

* البرز، کد پستی ۵۱۶۶۶۱۴۷۶۱ smrs.noorani@tabrizu.ac.ir

چکیده

تنظیم الگوی حرکتی ربات مطابق با شرایط مسیر یکی از زمینه‌های مورد توجه در رباتیک می‌باشد، زیرا موجب افزایش توانایی ربات در عبور از محیط‌های ناشناخته می‌شود. برای این مظاومه می‌توان از سازکار تولید الگوهای حرکتی در انسان و حیوانات، موسوم به «مولود الگوی مرکزی» الهام گرفت. این الگوهای حرکتی را گام و تعویض بین الگوهای حرکتی را گذر گام می‌گویند. تا کنون مدل‌های مختلفی برای مدل‌سازی عملکرد مولدهای الگوی مرکزی ارائه شده و از آنها برای تولید مسیر در ربات‌های سیار مخزنی نیز استفاده شده است. در مقاله‌ی حاضر، یک شبکهٔ مولد الگوی مرکزی موسوم به «مدل چهار سلولی» مطالعه می‌شود که برای تولید سیگال‌های ریتمیک مفاصل قوزک پا در سازکار حرکتی دوپایی طراحی شده است. این مدل از چهار سلول یکسان جفت‌شده تشکیل می‌شود که دینامیک داخلی آن‌ها از معادلات غیرخطی موریس-لکار تعیین می‌کند و پیوند بین سلول‌ها از نوع انتشاری است. تولید گام‌های خلف به تنظیم اختلاف فازهای هناء بین سیگال‌های ریتمیک تولید شده‌ی سلول‌ها ربط دارد، که به توبیخ خود با تنظیم وزن‌های پیوندی میان سلول‌ها حاصل می‌شود. در این مقاله، از الگوریتم ژنتیک با مرتب‌سازی نامفولب برای یافتن وزن‌های پیوندی بهینه جهت دستیابی به اختلاف فازهای مطلوب برای گام‌های اولیه راه‌رفتند، دوین، جهش دویا و برین دویا استفاده می‌کردند. همچنین، برخی گام‌های ثانویه، بدویزه گام راه رفتن آرام، با دوشاخگی حاصل از شکست تقارن در شبکهٔ مولد گام‌های اولیه به دست می‌آید. در مرجع [۲۸] امکان تولید گام راه رفتن آرام توسط شبکهٔ چهار سلولی پیش‌بینی شده است، ولی موفق به تولید آن نشده بودند.

اطلاعات مقاله

مقاله پژوهشی کامل

دریافت: ۱۵ مهر ۱۳۹۵

پذیرش: ۰۳ آبان ۱۳۹۵

ارائه در سایت: ۱۳ آذر ۱۳۹۵

کلید واژگان:

مولود الگوی مرکزی

مدل شبکهٔ چهار سلولی

سیگال ریتمیک

نوسان گر موریس - لکار

پیوند انتشاری

Optimization of coupling weights in a 4-cell central pattern generator network for bipedal locomotion gait generation

Sahar Farshbaf Rashidi¹, Mohammad-reza Sayyed Noorani^{2*}, Maryam Shoaran²

1- Mechatronics Engineering, University of Tabriz, Tabriz, Iran

2- Department of Mechatronics Engineering, University of Tabriz, Tabriz, Iran

*P.O.B. 5166614761 Tabriz, Iran, smrs.noorani@tabrizu.ac.ir

ARTICLE INFORMATION

Original Research Paper

Received 06 October 2016

Accepted 24 October 2016

Available Online 03 December 2016

Keywords:

Central Pattern Generator (CPG)

4-cell network model

Morris-Lecar oscillator

diffusive coupling

ABSTRACT

Locomotion regulation of a robot according to path conditions is one of the main interests in the robotics, because it enables the robot to move in unknown environments. This can be realized using inspiration from the human and animals' bio-mechanism in generating various motion patterns called central pattern generator (CPG). These motion patterns are called "gaits" and changing between the motion patterns is called "gait transition". Many models have been proposed to model CPGs and are used for trajectory generating of various mobile robots. In this paper, a type of CPG network called 4-cell CPG model is studied to generate the rhythmic signals of the ankle joints in a bipedal locomotion gaits. This model is composed of four coupled identical cells whose internal dynamics is described by the Morris-Lecar nonlinear differential equations and the couplings between the cells follow the diffusive type. The generation of various locomotion gaits depends on the adjustment of the phase differences between rhythmic signals produced by the cells. The phase differences, in turn, are obtained via properly adjusting the coupling weights between the cells. Here, we exploit a non-dominated sorting genetic algorithm (NSGA-II) to find the best set of coupling weights for maximally approaching the desired phase differences of the primary bipedal gaits of walk, run, two-legged jump, and two-legged hop. Also, some secondary bipedal gaits, especially one that is called "hesitation walk", are obtained by symmetry breaking bifurcations of the primary gaits. The "hesitation walk" has already been predicted in [28], however the authors could not generate it.

- مقدمه

Please cite this article using:

S. Farshbaf Rashidi, M.-R. Sayyed Noorani, M. Shoaran, Optimization of coupling weights in a 4-cell central pattern generator network for bipedal locomotion gait generation, *Modares Mechanical Engineering*, Vol. 16, No. 12, pp. 144-152, 2016 (in Persian)

برای ارجاع به این مقاله از عبارت ذیل استفاده نمایید:

به طور مشخص، هر واحد مولد شامل دو گروه از نورون‌های جفت‌شده است که پیوندهای مهاری دارند. سیگنال‌های ریتمیک تولید شده، توسط اعصاب به یک جفت ماهیچه فرستاده می‌شوند که با عملکرد مهار متقابل خود موجب باز و بسته شدن مفصل و دوران استخوان حول آن می‌شود.

واژه مولد الگوی مرکزی برای اولین بار توسط ویلسون، زمانی که در حال مطالعه بر روی الگوی حرکتی پرواز ملح بود مطرح شد [3]. او نشان داد که بازخورهای حسی مرتبط با حرکت، برای ایجاد الگوهای حرکتی عادی ضروری نیستند، این یافته گواه بر وجود یک مولد الگوی مرکزی برای تولید حرکت‌های پروازی در ملح بود [4]. پس از آن، مشاهده‌های مشابه توسط سایر پژوهش‌گران انجام گرفت. گریلنتر شان داد که سلول‌های عصبی واحد مولد الگوی مرکزی در نخاع مهره‌داران قرار دارد. در واقع، او نشان داد که گریله در حالی که ارتباط بین مغز و نخاع آن قطع شده بود، می‌تواند بر روی تسمه نقاهه حرکت کند. پس از این کار، گریلنتر و کوهن با مطالعه سیستم حرکتی مارماهی دریافتند که تحریک الکتریکی ناحیه‌ای از ساقه‌ی مغز به نام ناحیه‌ی مزنسفالیک حرکتی¹⁰ می‌تواند موجب آغاز فعالیت مولد الگوی مرکزی در تولید حرکت و یا تغییر سرعت آن شود [1,5].

نظریه‌ی تولید مولد الگوی سیگنال‌های عصبی حرکتی توجه پژوهش‌گران را به ارائه مدل‌های ریاضی برای توصیف آن معطوف کرد. از مدل‌های مهم می‌توان به هاچکین-هاکسلی¹¹، فیتزه‌اگ-ناگومو¹²، موریس-لکار¹³ و ماتسوکا¹⁴ اشاره کرد. لازم به ذکر است که این مدل‌ها، مدل‌های عصب پایه هستند و به مدل‌سازی فعلیت نرون عصبی برای تولید سیگنال‌های ریتمیک می‌پردازنند. با این حال در کاربردهای مهندسی، مولد الگوی مرکزی به عنوان تولید کننده مسیرهای مفصلی مرجع در نظر گرفته می‌شود که وظیفه‌ی آن تولید سیگنال‌های نوسانی به عنوان مرجع جابجایی‌های تناوبی مفاصل ربات در اجرای حرکت می‌باشد، و الزاماً به استفاده از مدل‌های عصب پایه نیست. لازم به ذکر است که توسعه‌ی مدل‌های مولد الگوی مرکزی دست کم به دو دلیل دارای اهمیت است: اول آنکه با شبیه‌سازی رفتار سیستم توسط مدل‌ها به یافته‌های بیشتری در دانش زیست‌شناسی خواهیم رسید، و دوم، به کارگیری این مدل‌ها در کاربردهای مهندسی مانند مسیرسازی در ربات‌ها، به ویژه ربات‌های پادار [6]. یک روش کارا است. در کاربردهای توانبخشی نیز از مدل مولددهای الگوی مرکزی برای هم‌گام‌سازی حرکت بین فرد ناتوان و ربات پوششی کمک‌حرکتی استفاده شده است [7-8].

2-1- استفاده از مدل‌های مولد الگوی مرکزی برای تولید گام در ربات‌ها

از منظر مهندسی رباتیک، مولد الگوی مرکزی شبکه‌ای از نوسان‌گرهای به هم جفت‌شده است که هر نوسان‌گر مولد یک مسیر مرجع برای یک مفصل از زنجیره‌ی حرکتی ربات می‌باشد. سیگنال‌های خروجی از همه‌ی نوسان‌گرهای بسامد یکسانی دارند، ولی هر کدام از آن‌ها می‌تواند با دیگر اختلاف فاز داشته باشد. در واقع، ترتیبی از اختلاف فازها می‌تواند الگوی حرکتی خاصی را تولید کند. بنابراین، تولید یک گام مطلوب، مثلاً راه رفتن، با تنظیم درست اختلاف فازها بین حرکت‌های تناوبی مفاصل سیستم حرکتی حاصل می‌شود. تنظیم این اختلاف فازها در حرکت مفاصل که وابسته به الگوی ریتمیک

در دهه‌های اخیر، بررسی الگوهای حرکتی موجودات با هدف پیاده‌سازی آنها روی سازکار حرکتی ربات‌ها مورد توجه بسیاری از پژوهش‌گران بوده است. انسان و بسیاری از حیوانات توانایی تولید الگوهای حرکتی گوناگون را دارند که هر الگوی حرکتی را گام¹ می‌گویند. همچنین آن‌ها توانایی تعویض الگو از گامی به گام دیگر را دارند که به آن گذر گام² می‌گویند. در حقیقت جانوران با امکان تولید گام‌های گوناگون در شرایط مختلف، برای مثال راه رفتن در شرایط طبیعی، دویدن در هنگام عجله و یا پریدن از روی موانع، توانایی تطبیق با محیط‌های گوناگون را پیدا می‌کنند. بر این اساس، گرایش به طراحی روش‌های کنترلی جدید جهت تولید الگوهای حرکتی ربات‌های پادار و همچنین گذر بین گام‌ها در صورت لزوم، با الهام از آنچه که در جانوران روی می‌دهد، افزایش یافته است. یکی از راه‌کارهای ایجاد الگوهای حرکتی و گذر بین آن‌ها در ربات‌های پادار، پیاده‌سازی مدلی الهام گرفته شده از شبکه‌های عصبی زیست‌شناختی به نام مولددهای الگوی مرکزی می‌باشد.

1- پیشینه‌ی عصب‌شناختی و توسعه‌ی مدل‌های مولد الگوی مرکزی

در مهره‌داران، سلول‌های موسوم به مولد الگوی مرکزی در نخاع قرار دارند و وظیفه‌ی تبدیل سیگنال‌های دریافتی از مراکز کنترل سطح بالا مانند مغز، برای فعال‌سازی سیگنال‌های ارسالی به ماهیچه‌ها برای ایجاد گام‌های حرکتی مناسب را بر عهده دارند. سیگنال‌های ارسالی از مغز برای فعال کردن شبکه می‌باشند و خود نوسانی نیستند. در واقع، وظیفه‌ی تولید سیگنال‌های ریتمیک عصبی³ بر عهده‌ی واحد مولد الگوی مرکزی است که موجب تحریک نوسانی ماهیچه‌ها، و دوران استخوان‌ها حول مفاصل و تحقق یک گام حرکتی می‌شود. همچنین، برای تولید این سیگنال‌های ریتمیک، نیازی به بازخورهای حسی و حرکتی از دستگاه استخوانی-ماهیچه‌ای نیست. این بدین معنی است که این سیگنال‌ها به صورت مرکزی در واحد تولید کننده‌ی الگو ایجاد می‌شوند. با این وجود، اطلاعات بازخوری از محیط می‌تواند خروجی‌های مولد الگوی مرکزی را با شرایط محیطی منطبق کند و موجب پایداری بیشتر گام شود [1].

نظریه تولید سیگنال‌های ریتمیک حرکتی به‌وسیله‌ی واحدی که در مغز جای نگرفته است، اولین بار توسط بارون در 1911 با انجام آزمایشی روی گریله‌ای که مخچه‌ی آن خارج شده بود و روی تسمه نقاهه به حرکت و اداسته شده بود، مطرح شد [1,2]. در این مطالعه، گریله با اینکه فاقد مخچه بود توانایی راه رفتن را تسمه نقاهه را داشت. همچنین، گذر به گام‌های یورتمه⁴ و تاخت⁵ با افزایش آرام سرعت تسمه مشاهده شد. این مشاهده‌ها نشان داد که واحد تولید سیگنال‌های حرکتی در سطح بالایی دستگاه عصبی مانند مخ و مخچه قرار ندارد و باید به احتمال در مرکز عصبی نخاعی قرار گرفته باشد. بارون مدلی برای بیان چگونگی تولید سیگنال‌های عصبی محرك ماهیچه‌ها نیز ارائه داد، که با نام مدل نیمه مرکز⁶ شناخته شد. این مدل بر اساس قانون مهار متقابل⁷ ارائه شده بود. در مدل بارون، واحد تولید کننده‌ی الگو سیگنال‌های فرمانی به ماهیچه‌های خم‌کننده⁸ و بازکننده⁹ را تولید می‌کند.

¹ gait

² gait transition

³ nervous rhythmic signals

⁴ trot

⁵ gallop

⁶ half-center

⁷ reciprocal inhibition

⁸ flexor

⁹ extensor

¹⁰ Mesencephalic Locomotor Region (MLR)

¹¹ Hodgkin-Huxley

¹² FitzHugh-Nagumo

¹³ Morris-Lecar

¹⁴ Matsuoka

[23]. همچنین الیوریا و همکاران از الگوریتم تکاملی برای جستجوی مجموعه پارامترهای بهینه مدل مولد الگوی مرکزی برای تولید گام رامروی پایدار در ربات انسان نما استفاده کردند [24].

وقتی که تولید بیش از یک گام از شبکه مولد الگوی مرکزی مورد انتظار باشد، تنظیم پارامترهای آن دشوارتر می‌شود. مثلاً انسان می‌تواند گام‌های گوناگونی از قبیل راه رفتن، دویدن، پرش کردن و دیگر گام‌ها را تولید کند. توجه به برخی ویژگی‌ها در اجرای گام‌های حرکتی مانند تقارن در حرکت اندامها و فعالیت ماهیچه‌ها، می‌تواند به طراحی شبکه‌ای با تعداد پارامترهای کمتر کمک کند.

4-1- تولید گام‌های دوبایی با روش مدل مولد الگوی مرکزی چهار سلولی

در سال‌های اخیر، پینتو و گلابیتسکی یک مدل چهار سلولی برای شبکه مولد الگوی مرکزی ارائه دادند و توسط آن سیگنال‌های ریتمیک مرتبط با گام‌های دوبایی را بررسی کردند [25]. آنها یازده الگوی حرکتی ممکن از مدل مولد الگوی مرکزی چهار سلولی را پیش‌بینی و آنها را به دو گروه اولیه و ثانویه تقسیم کردند. این تقسیم‌بندی بر اساس شکل موج سیگنال‌های تولیدی توسط سلول‌ها بود. هر سلول سیگنال تحریک یکی از ماهیچه‌های خم کننده و بازکننده مفصل قوزک پا را برای پای چپ و راست تولید می‌کرد. در این مدل چهار سلولی که توسط پینتو و همکاران پیشنهاد شده بود، توجه به تقارن در حرکت اندام‌ها اساس تنظیم پارامترهایی بود که وزن پیوند بین سلول‌ها را تعیین می‌کردند. برای مثال در راه رفتن و دویدن، پاهای راست و چپ نیم دور خارج از فاز هستند، در صورتی که در جهش دوپا و پرش دوپا، پاهای راست و چپ هم فاز هستند. از سوی دیگر، اگر فعالیت ماهیچه‌های خم کننده و بازکننده قوزک پاهای را بررسی کنیم در میان آنها نیز الگوهای فاز متقاضی وجود دارد. برای مثال، در دویدن هر دو ماهیچه خم کننده و بازکننده قوزک هم فازند، در حالی که در راه رفتن آنها نیم دور خارج از فاز هستند. پژوهش‌گرانی چون کالینز، بونو، اسوات، گلابیتسکی و پینتو بر تقارن حرکت اندام‌ها در اجرای گام‌های حرکتی تمرکز کردند و به اعمال آن در طراحی شبکه‌های مولد الگوی مرکزی، مانند مدل چهار سلولی، پرداختند. [26-27]

پینتو و گلابیتسکی با مدل چهار سلولی توانستند سیگنال‌های ریتمیک مربوط به چهار گام اولیه، راه رفتن⁴، دویدن⁵، جهش دوپا⁶ و پرش دوپا⁷، نیز چهار گام از شش گام ثانویه، جست زدن⁸، تاخت رفتن⁹، پرش نامتقاضان¹⁰ و پرش تک پا¹¹ را تولید کنند. آنها بعد از این کار یک گام ثانویه دیگر را پیش‌بینی کردند و آن راه رفتن آرام¹² نامیدند. پس از آن، پینتو و همکاران گذر از گام‌های اولیه به ثانویه را در مورد مولد الگوی مرکزی چهار سلولی بررسی کردند [27]. در واقع، گذر بین گام‌ها نتیجه‌ی دوشاخه‌گی‌هایی بود که از شکستن تقارن بین پیوندهای میان نوسان‌گرها بدست می‌آمد. همچنین مشخص شد که گذر بین گام‌ها مستقل از مدل می‌باشد، یعنی به نوع مدل دینامیک داخلی نوسان‌گرها یا نوع پیوند میان آنها بستگی ندارد. در این راستا، پینتو و همکاران گذر بین گام‌ها را بر روی دو مدل نوسان‌گر یعنی

سیگنال‌های عصبی محرك ماهیچه است، خود با تنظیم وزن‌های پیوندی میان نوسان‌گرها مولد آن سیگنال‌های عصبی به دست می‌آید. البته در مدل‌های ارائه شده برای شبکه مولد الگوی مرکزی یافتن وزن‌های مناسب برای تولید سیگنال‌های ریتمیک متناظر یک گام مطلوب کار دشواری است. با این حال برخی از پژوهش‌گران موفق شدند با طراحی معماري‌های مختلف برای شبکه‌های مولد الگوی مرکزی، که متشکل از تعدادی نوسان‌گرهای جفت‌شده بودند، گام‌های حرکتی متنوعی در ربات‌های جانورنما تولید کنند. از آن جمله می‌توان به ربات‌های پادار مانند دوبا [10-9] و چهار پا [13-11]، و یا ربات‌های بی‌پا مانند ربات ماهی [14] و ربات مار [15-16] اشاره کرد. برای نمونه به برخی از پژوهش‌های انجام شده در سال‌های اخیر که موضوع تولید گام‌های حرکتی در ربات‌های پادار توسط شبکه مولد الگوی مرکزی را مورد توجه قرار داده‌اند، اشاره می‌شود.

وو و همکاران، یک مدل مولد الگوی مرکزی متشکل از نوسان‌گرهای غیرخطی هاف با سامد ذاتی تطبیقی را برای تولید گام‌های حرکتی چهارپایی در یک ربات چهارپای ارائه دادند. آنها توسط این مدل گذر هموار از گام قدم به گام یورتمه را اجرا کردند. آنها ادعا کردند که در این روش پیشنهاد شده اختلاف فاز بین نوسان‌گرها به طور دلخواه تنظیم می‌شود [17].

لیو و همکاران، با استفاده از مدل مولد الگوی مرکزی یک کنترل تطبیقی را با هدف حرکت ربات چهارپای آی بو¹ و ربات دوبای² روی سطوح تخت و شبکه پیاده‌سازی کردند [18-19]. در روش آنها تولید مسیر برای نقاطی از ربات که در فضای کاری تعریف می‌شوند، به طور روی خط، انجام می‌گرفت. این کار سبب کاهش تعداد نوسان‌گرها نسبت به تعداد مفاصل می‌شد که به موجب آن پارامترهای تنظیمی نوسان‌گرها نیز کاهش می‌یافتد.

کریستیانو و همکاران، شبکه مولد الگوی مرکزی دو لایه‌ای را برای کنترل حرکت ربات ناؤ و ارائه دادند. شبکه مولد الگوی مرکزی ارائه شده بر اساس معماری پایه و پیرو بود. بدنه اصلی به چند زنجیره که نماینده‌ی دست‌ها و پاهای بودند متصل بود. در سر هر زنجیره یک نوسان‌گر ماتسوکا قرار می‌گرفت، و نوسان‌گرهایی که به ازای هر مفصل زیر یک زنجیره در نظر گرفته شده بودند، تنها در پیوند بین خود و نوسان‌گر سر زنجیره بودند. تمامی نوسان‌گرهای سر زنجیره‌ای نیز خود به یک نوسان‌گر مرکزی متصل می‌شوند. این معماری در مدل شبکه مولد الگوی مرکزی سبب کاهش تعداد پیوندها می‌شود. علاوه بر این، از الگوریتم زنگیک برای جستجوی پارامترهای بهینه در شبکه طراحی شده استفاده شد [20]. همچنین، کریستیانو و همکاران، از یک مدل مولد الگوی مرکزی با نوسان‌گرهای ماتسوکا برای راه رفتن تطبیقی ربات ناؤ روی سطح شبکه استفاده کردند. در این پژوهش هر نوسان‌گر موقعیت زاویه‌ای یک مفصل از ربات را طرح‌ریزی می‌کرد [21].

1- روش‌های بهینه برای ایجاد شبکه‌های مولد الگوی مرکزی

همانگونه که لیو و چن در [22] اشاره کرده‌اند، تنظیم پارامترهای شبکه مولد الگوی مرکزی برای تولید گام‌های حرکتی مطلوب کار دشواری است. علاوه بر مراجع فوق، بسیاری از پژوهش‌گران برای حل این مسئله، از الگوریتم‌های بهینه‌سازی جستجو محور استفاده کرده‌اند. به عنوان نمونه، کیم و همکاران از الگوریتم توده ذرات³ برای تولید گام راه رفتن در ربات دوبا استفاده کردند

¹ AIBO

² NAO

³ Particle swarm optimization

⁴ walk
⁵ run
⁶ two-legged jump
⁷ two-legged hop
⁸ skip
⁹ gallop
¹⁰ asymmetric hop
¹¹ one-legged hop
¹² hesitation walk

مقدار وزنی هر کدام متمایز از دیگری است. اگرچه برابری مقادیر وزنی اتصال‌های دهنده و گیرنده در یک پیوند دو طرفه برای تولید گام‌های اولیه الزاماً است، ولی این برابری در تولید گام‌های ثانویه الزاماً نیست. از این رو نماد $z_j W_i$ برای هر یک از وزن‌های دوطرفه‌ی یک پیوند به کار می‌رود که در آن ω و زبه‌تریب شماره‌ی سلول‌های دهنده و گیرنده هستند.

اگر شبکه‌ی چهار سلولی شامل هر سه نوع تقارن افقی، عمودی و قطری بین پیوند‌های دوطرفه‌ی خود باشد، می‌تواند هر چهار گام اولیه‌ی راه رفتن، دویدن، جهش دوپا و پرش دوپا را تولید کند. گام راه رفتن تقارن قطری، گام دویدن تقارن افقی، گام جهش دوپا تقارن عمودی و گام پرش دوپا تقارن در همه جهات را نیاز دارد.

در این مدل، سلول‌های قرار گرفته در هر یک از ستون‌های چپ و راست در واقع متناظر با ماهیچه‌های خم‌کننده و بازکننده در قوزک هر پا هستند که با عمل مهار متقابل موجب دوران مفصل می‌شوند. در واقع این ساختار با الهام از دستگاه استخوانی-ماهیچه‌ای بدن طراحی شده است، که در آنجا حرکات تنابوی هر مفصل توسط دو گروه از ماهیچه‌ها، یعنی خم و بازکننده، صورت می‌گیرد. با توجه به این موضوع می‌توان نوع تقارن و میزان اختلاف فاز انتظاری بین سیگنال‌های تولید شده توسط سلول‌ها را تعیین کرد.

چنان‌که در شکل 2 نشان داده شده است، در راه رفتن و دویدن هر دو پای چپ و راست نیم دور خارج از فاز هستند. در مقابل، در گام‌های جهش و پرش دوپا حرکت پاها ی چپ و راست هم‌فاز است، و بنابراین هر دو پا همزمان و یک‌شکل حرکت می‌کنند، طوری که محل قرار گرفتن هر دو پا در شروع و پایان حرکت در یک خط می‌باشد. به علاوه، در گام جهش دوپا مدت زمان بمرور دوپا فعالیت ماهیچه‌های خم‌کننده و بازکننده‌ی هر پا به راه رفتن و جهش دوپا فعالیت ماهیچه‌های خم‌کننده و بازکننده‌ی هر پا به اندازه‌ی نیم دور خارج از فاز است، زیرا در این گام‌ها به هنگام حرکت به چرخش مفصل قوزک نیاز است. در مقابل، در دویدن و پرش دوپا نیاز است در هر پا ماهیچه‌های خم و بازکننده هم فاز باشند، زیرا به هنگام انجام حرکت نیاز به قفل (یی دوران) بودن مفصل قوزک می‌باشد [28].

برای تولید گام‌های ثانویه برخی از ارتباط‌های تقارنی بین پیوندهای سلولی در مدل شبکه‌ی چهار سلولی شکسته می‌شود و به این ترتیب شکل-موج سیگنال‌های تولیدی الزاماً بین همه سلول‌ها یکسان نخواهد بود. به عنوان نمونه، گام تاخت رفتن با شکستن تقارن افقی از گام راه رفتن ایجاد می‌شود. در گام جدید ماهیچه‌های پای چپ سیگنال‌هایی با شکل موج متفاوت از آنهایی که به ماهیچه‌های پای راست فرستاده می‌شوند دریافت می‌کنند.

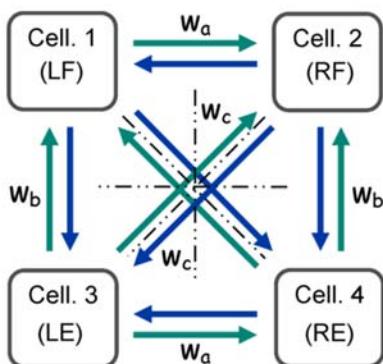


Fig. 1 The 4-cell model of CPG network for bipedal gait generation

شکل ۱ مدل چهار سلولی شبکه‌ی مولد الگوی مرکزی برای تولید گام دوپایی

موریس - لکار و ویلسون-کوان و با دو نوع پیوند سیناپسی¹ و انتشاری² میان نوسان‌گرها بررسی کردند [28].

۱-۵- نوآوری پژوهش حاضر

در این مقاله روش پینتو و همکاران [28] در تولید و گذر بین گام‌های دوپایی با استفاده از مدل مولد الگوی مرکزی چهار سلولی ادامه داده می‌شود. به ویژه، از یک الگوریتم ژنتیک با مرتب‌سازی نامغلوب به جای روش تنظیم دستی برای جستجوی مجموعه‌ای بهینه از وزن‌های پیوند برای تولید گام‌های اولیه استفاده می‌شود. با این ابزار می‌توان به صورت بهینه اختلاف فاز میان سیگنال‌های ریتمیک تولید شده توسط مدل مولد الگوی مرکزی چهار سلولی را برای گام‌های اولیه به دست آورد. همچنین برخی گام‌های ثانویه با دوشاخگی حاصل از شکستن تقارن شبکه به دست می‌آیند. در این مقاله توانسته‌ایم سیگنال‌های ریتمیک مربوط به گام ثانویه‌ی راه رفتن آرام را با گذر از گام اولیه‌ی جهش دوپا تولید کنیم. این گام توسط پینتو و همکاران به عنوان حلی از مدل چهار سلولی پیش‌بینی شده بود، ولی آن‌ها اعلام کردند که قادر به یافتن پارامتر گذر و تولید سیگنال‌های ریتمیک آن نشده‌اند [28].

۲- مدل شبکه‌ی مولد الگوی مرکزی چهار سلولی

مدل شبکه‌ی مولد الگوی مرکزی چهار سلولی برای تولید گام‌های دوپایی، اولین بار توسط گلابیتسکی و همکاران [26] معرفی شد و در سال‌های بعد مطالعات بیشتری توسط پینتو و گلابیتسکی روی این مدل صورت گرفت [25]. همان‌طور که در شکل 1 نشان داده شده است این مدل از چهار سلول خم‌کننده چپ³، خم‌کننده راست⁴، بازکننده چپ⁵ و بازکننده راست⁶ تشکیل شده است، که در آن هر سلول با سلول‌های مجاور خود با سه پیوند دو طرفه، در جهات افقی (بین جفت‌های ۱-۲ و ۳-۴)، عمودی (بین جفت‌های ۱-۳ و ۲-۴) و قطری (بین جفت‌های ۱-۴ و ۲-۳) به هم متصل می‌شود. همچنین، قدرت هر پیوند توسط مقدار وزن‌ها تنظیم می‌شود.

سیگنال‌های ریتمیک برای ارسال به ماهیچه‌های خم‌کننده و بازکننده مفصل قوزک پای چپ و راست، در واقع خروجی نوسان‌گرها خواهد بود. وزن‌های پیوندی بین نوسان‌گرها توسط سه مقدار سه W_a ، W_b و W_c نشان داده شده است. این مدل مولد الگوی مرکزی می‌تواند چهار گام اولیه را تولید کند. برای هر گام حداقل یک نوع تقارن در مقداردهی وزن پیوندها رعایت می‌شود. این تقارن در پیوندها سبب یکسانی متناظر در شکل سیگنال‌های ریتمیک تولید شده توسط نوسان‌گرها می‌شود، که این امر با تقارن حرکت در مفاصل چین اجرای یک گام قابل توضیح است. بنابراین اگر همه نوسان‌گرها سیگنال‌هایی را با شکل موج یکسان تولید کنند، چه هم‌فاز و چه خارج فاز، آنگاه گام تولید شده توسط آنها را گام اولیه می‌نامیم. در غیر این صورت آن را گام ثانویه می‌گوییم.

اگر یک ساختار متقابن برای شبکه مورد نظر باشد، برابری مقدار وزن‌های دو طرفه یک پیوند الزاماً است. به عبارت دیگر، مدل دارای ساختار متقابن است اگر دو جفت از سلول‌ها با پیوندهای یکسان به هم متصل شده باشند. در شکل 1 پیکان‌های نماینده‌ی پیوندهای دوطرفه با دو رنگ تمایز ترسیم شده است تا نشان‌دهنده‌ی آن باشد که در حالت کلی

¹ synaptic

² diffusive

³ Left Flexor(LF)

⁴ Right Flexor(RF)

⁵ Left Extensor(LE)

⁶ Right Extensor(RE)

$$h(y_m, y_n) = y_n - y_m \quad (3)$$

که در آن، y_m و y_n به ترتیب نماینده‌ی خروجی سلول‌های دهنده و گیرنده می‌باشد. به این ترتیب، مدل شبکه‌ی چهار سلولی مولد الگوی مرکزی مطابق رابطه‌ی زیر بیان می‌شود:

$$\begin{aligned} \dot{y}_1 &= F(y_1, y_2, y_3, y_4) = f_2(u_1, y_1) - w_{21}^a h(y_2, y_1) - \\ &w_{31}^b h(y_3, y_1) - w_{41}^c h(y_4, y_1) \\ \dot{y}_2 &= F(y_2, y_1, y_4, y_3) = f_2(u_2, y_2) - w_{12}^a h(y_1, y_2) - \\ &w_{42}^b h(y_4, y_2) - w_{32}^c h(y_3, y_2) \\ \dot{y}_3 &= F(y_3, y_4, y_1, y_2) = f_2(u_3, y_3) - w_{43}^a h(y_4, y_3) - \\ &w_{13}^b h(y_1, y_3) - w_{23}^c h(y_2, y_3) \\ \dot{y}_4 &= F(y_4, y_3, y_2, y_1) = f_2(u_4, y_4) - w_{34}^a h(y_3, y_4) - \\ &w_{24}^b h(y_2, y_4) - w_{14}^c h(y_1, y_4) \end{aligned} \quad (4)$$

که در اینجا y_i خروجی سلول i است. قابل ذکر است که u_i و y_i متغیرهای حالت دینامیک داخلی نوسان‌گرهای هستند. بنابراین، دینامیک متغیر حالت دوم طبق رابطه‌ی (1) عبارت خواهد بود از:

$$\dot{u}_i = f_1(u_i, y_i), \quad i = 1, 2, 3, 4 \quad (5)$$

4- بینه‌یابی مقادیر وزن‌های پیوندی برای تولید گام‌های اولیه

برای تولید گام‌های دوپایی اولیه، می‌بایست وزن‌های پیوندی بین سلول‌های شبکه‌ی چهار سلولی طوری تنظیم شود که در حد امکان اختلاف فاز بین سیگنال‌های ریتمیک تولید شده توسط سلول‌ها مطابق با مقادیر مطلوب نشان داده شده در شکل 2 باشد. برای این منظور یک مسئله‌ی بینه‌سازی برای یافتن وزن‌های پیوندی تعریف می‌کنیم. بنا به آنچه ذکر شد، برای هر گام اولیه سه تابع هدف تعریف می‌شود که هر یک اختلاف فاز بین سلول اول و یکی دیگر از سلول‌های شبکه را محاسبه می‌کند. روشن است که اگر اختلاف فاز بین سلول اول با دیگر سلول‌ها معین شود، اختلاف فاز بین سلول‌های دیگر نیز معین خواهد شد. توابع هدف برای هر گام به صورت زیر تعریف می‌شود؛

برای گام راه رفتن:

$$\begin{aligned} z_1 &= |\Delta_\phi(y_1, y_2) - 180|; z_2 = |\Delta_\phi(y_1, y_3) - 180|; \\ z_3 &= |\Delta_\phi(y_1, y_4) - 0.00| \end{aligned} \quad (6)$$

برای گام دوپایی:

$$\begin{aligned} z_1 &= |\Delta_\phi(y_1, y_2) - 0.00|; z_2 = |\Delta_\phi(y_1, y_3) - 180|; \\ z_3 &= |\Delta_\phi(y_1, y_4) - 180| \end{aligned} \quad (7)$$

برای گام جوش دوپایی:

$$\begin{aligned} z_1 &= |\Delta_\phi(y_1, y_2) - 180|; z_2 = |\Delta_\phi(y_1, y_3) - 0.00|; \\ z_3 &= |\Delta_\phi(y_1, y_4) - 180| \end{aligned} \quad (8)$$

برای گام پرش دوپایی:

$$\begin{aligned} z_1 &= |\Delta_\phi(y_1, y_2) - 180|; z_2 = |\Delta_\phi(y_1, y_3) - 0.00|; \\ z_3 &= |\Delta_\phi(y_1, y_4) - 180| \end{aligned} \quad (9)$$

که در این روابط z نماینده‌ی تابع هدف بوده و Δ_ϕ اختلاف فاز میان سلول‌ها را اندازه‌ی گیرد.

برای حل این مسئله از یک الگوریتم ژنتیک با مرتب‌سازی نامغلوب استفاده می‌شود. این الگوریتم توسط دب و همکاران [29] معرفی شده است. وزن‌های پیوندی W_a , W_b و W_c به عنوان متغیرهای بینه‌سازی تقارن‌ها باید به این نکته توجه کرد که به منظور تولید گام‌های اولیه همه‌ی تقارن‌ها در پیوندهای بین سلولی باید برقرار شود و بنابراین هر پیوند دوطرفه شامل تنها یک مقدار وزنی برای هر دو مسیر دهنده و گیرنده خواهد بود.

متغیرهای بینه‌سازی در قالب کروموزوم‌های دودویی رمز می‌شوند. آنگاه یک جمعیت اولیه تولید می‌شود، و طی فرآیندهای انتخاب، پرش و جوش جمعیت جدید دیگری که اعضای آن بیشترین مقدار شایستگی را داشته‌اند

3- دینامیک غیرخطی نوسان‌گر موریس - لکار

دینامیک‌های مختلفی برای مدل‌سازی رفتار نوسانی مولد‌های الگوی مرکزی ارائه شده است [2]. دینامیک غیرخطی نوسان‌گر موریس - لکار یکی از آن‌ها است که به دلیل ساده و نزدیک بودن آن به مدل بیولوژیکی، در این مطالعه مورد استفاده قرار می‌گیرد. این مدل رفتار ریتمیک سلول‌های مولد الگو را با معادلات غیرخطی زیر توصیف می‌کند:

$$\begin{aligned} \dot{u} &= f_1(u, v) = -\varphi \tau(v)(n(v) - u) \\ \dot{v} &= f_2(u, v) = -m(v) \cdot g_{Ca}(v - V_{Ca}) \\ &\quad - u \cdot g_K(v - V_K) - g_L(v - V_L) \\ &\quad + I_{app} \end{aligned} \quad (1)$$

که در معادله بالا، τ اختلاف پتانسیل غشای سلولی نورون‌ها، $m(v)$ مقدار جریان محرک عبوری از سلول، $g_{Ca}(v - V_{Ca})$ ، $g_K(v - V_K)$ و $g_L(v - V_L)$ نماینده‌ی سهم مجازی یونی می‌باشند که اختلاف پتانسیل غشای سلولی را تنظیم می‌کنند. به علاوه، تابع $n(v)$ و $\varphi(v)$ طبق روابط زیر تعریف می‌شوند:

$$\begin{aligned} m(v) &= \frac{1}{2} \left(1 + \tanh \left(\frac{v - V_1}{V_2} \right) \right) \\ n(v) &= \frac{1}{2} \left(1 + \tanh \left(\frac{v - V_3}{V_4} \right) \right) \\ \tau(v) &= \frac{1}{2} \left(1 + \cosh \left(\frac{v - V_3}{2V_4} \right) \right) \end{aligned} \quad (2)$$

که در اینجا ثابت‌های V_4 تا V_1 برای مقیاس‌بندی کمیت v شده‌اند. مقادیر عددی ثابت‌ها که در شبیه‌سازی‌ها استفاده شده است در جدول 1 داده شده است [28].

معادله (1) دینامیک داخلی یک سلول منزوی در شبکه‌ی مولد الگو را توصیف می‌کند، و البته خروجی نهایی هر سلول تحت تأثیر پیوندهای آن با دیگر سلول‌های موجود در شبکه شکل می‌گیرد. بنابراین در مدل‌سازی شبکه می‌باید مدل پیوندهای بین سلولی معرفی شده است، مدل سیناپسی و مدل انتشاری. در این مقاله شبکه را با پیوندهای انتشاری مورد مطالعه قرار می‌دهیم [28]. مدل پیوند انتشاری به صورت زیر تعریف می‌شود:

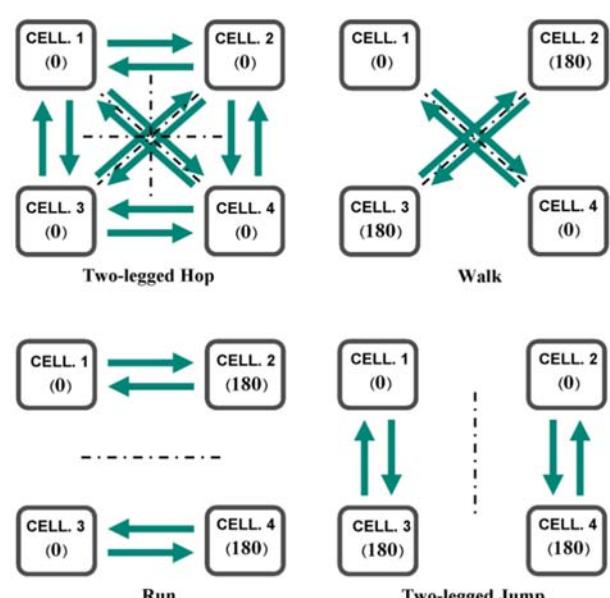


Fig. 2 The symmetrical phase relations in primary gaits.

شکل 2 ارتباط‌های تقارنی فاز در گام‌های اولیه

جدول 1 مقادیر پارامترهای نامغایر در دینامیک داخلی سلول‌ها با مدل موریس - لکار

Table 1 Values of invariant parameters of the cells' internal dynamics according to Morris - Lecar model

g_{Ca} (mmho/cm ²)	g_K (mmho/cm ²)	g_L (mmho/cm ²)
0.9	2.00	0.5
V_{Ca} (mV)	V_K (mV)	V_L (mV)
1.00	-0.7	-0.5
V_1 (mV)	V_2 (mV)	V_3 (mV)
0.01	0.15	0.10
V_4 (mV)		0.15

جدول 2 مقادیر پارامترهای متغیر در دینامیک سلول‌ها و وزن‌های بهینه‌ی پیوندی

Table 2 Values of variant parameters of the cells' internal dynamics and optimal weights of the couplings

وزن‌های بهینه‌ی پیوندی	پارامترهای دینامیک سلول	نوع گام
(w_a w_b w_c)	(I_{app} φ)	
(0.390 -0.681 0.489)	(0.229 0.254)	راه رفت
(-0.936 1.000 0.652)	(0.290 0.394)	دویدن
(0.982 -0.013 -0.221)	(0.279 0.194)	جهش دوپا
(0.362 0.328 -0.016)	(0.279 0.294)	پرش دوپا

جدول 3 مقادیر اولیه‌ی متغیرهای حالت دینامیک سلول‌ها در تولید گام‌های اولیه

Table 2 Initial values of the state variables of the cells' dynamics for generating the primary gaits

مقادیر اولیه‌ی متغیر v	مقادیر اولیه‌ی متغیر u	نوع گام
(0.280 0.277) (-0.197 0.159)	(-0.197 0.159) (0.280 0.277)	راه رفت
(-0.304 0.163) (-0.304 0.163)	(0.169 0.229) (0.169 0.229)	دویدن
(-0.046 0.398) (0.327 0.253)	(-0.046 0.398) (0.327 0.253)	جهش دوپا
(-0.059 0.225) (-0.059 0.225)	(-0.059 0.225) (-0.059 0.225)	پرش دوپا

تولید شده توسط شبکه پس از طی دوره‌ی گذرا و رسیدن به حالت پایا شرایط تقارنی مورد انتظار را برآورده می‌کنند. در شکل‌های 3 تا 6 این سیگنال‌های ریتمیک در یک بازه‌ی زمانی پس از پایانی به ترتیب برای هر یک از گام‌های راه رفتن، دویدن، جهش دوپا و پرش دوپا نشان داده شده است. همان‌طور که مشاهده می‌شود در هر یک از گام‌های اولیه سیگنال‌های ریتمیک خروجی همه‌ی سلول‌ها شکل‌موج یکسانی دارند. به علاوه اختلاف فاز میان سلول‌ها نیز همان‌گونه که در هر گام مورد انتظار بود، مطابق شکل 2، حاصل شده است. برای نمونه، سیگنال‌های ریتمیک مولد گام پرش دوپا همگی هم‌فاز هستند.

سیگنال‌های ریتمیک مولد گام‌های ثانویه در نتیجه‌ی دوشاخگی حاصل از شکستن یکی از تقارن‌های موجود در شبکه‌ی چهار سلولی مولد گام‌های اولیه به وجود می‌آیند. نقص در تقارن پیوندی‌های بین سلولی شبکه سبب می‌شود شکل‌موج یکسانی از همه‌ی سلول‌ها حاصل نشود. با این حال می‌توانیم برخی اختلاف فازهای مشخصی را بین سیگنال‌های هم‌شکل انتظار داشته باشیم که متناظر با یک گام حرکتی دوپایی باشد. پینتو و گلابیتسکی [25] در مورد پاسخ‌های ریتمیکی که ممکن است توسط شبکه‌ی چهار سلولی تولید شود مطالعه کردند و پیش‌بینی کردند این شبکه می‌تواند 11 نوع پاسخ ریتمیک متناظر با الگوهای حرکتی دوپایی تولید کند. 4 پاسخ ریتمیک ممکن، دارای سیگنال‌های سلولی با شکل‌موج یکسان هستند که متناظر با گام‌های اولیه می‌باشند. 1 پاسخ ممکن نیز وجود دارد که در آن هر سلول یک شکل‌موج متفاوت تولید می‌کند که متناظر با هیچ گام حرکتی نخواهد بود. سیگنال‌های

نسل بعدی را می‌سازد. در الگوریتم ژنتیک با مرتب‌سازی نامغلوب دو مفهوم «رتبه‌بندی» و «فاصله‌ی ازدحام» تعریف می‌شود تا یک مسئله‌ی چند هدفه را به سمت پاسخ بهینه‌ی آن هدایت کند. در این الگوریتم کروموزم‌ها بر اساس رابطه‌ی غالب و مغلوب رتبه‌بندی می‌شوند. در این رابطه، کروموزم X بر Y غلبه می‌کند، اگر X از هیچ نظر بدتر از Y نباشد و حداقل از یک نظر بهتر از Y باشد. در هر مقایسه، اگر کروموزم X بر کروموزم Y غلبه کند، کروموزم Y به مجموعه غالب X اضافه و به شمارنده‌ی مغلوب آنها صفر باشد، یعنی آنها بی‌ثواب باشند. حال کروموزم‌هایی که شمارنده‌ی مغلوب آنها صفر باشد، یعنی آنها بی‌ثواب باشند در رقابت با سایر کروموزم‌ها هیچ‌گاه مغلوب نشده‌اند، رتبه‌ی 1 کسب می‌کنند و یک «جهه‌ی پرتو» از مرتبه‌ی 1 را تشکیل می‌دهند. رتبه‌بندی‌های بعدی با حذف کروموزم‌های حائز رتبه‌ی 1 از مجموعه غالب سایر کروموزم‌ها و کاستن یک واحد از شمارنده‌ی مغلوب آنها انجام می‌شود. آنگاه کروموزم‌هایی که شمارنده‌ی مغلوب آنها صفر باشد، رتبه‌ی 2 گرفته و یک جهه‌ی پرتوی جدید تشکیل می‌دهند؛ و این روند تا آخرین کروموزم نامغلوب ادامه می‌پاید. به طور خلاصه می‌توان گفت که در این روش به جای ارزیابی مقدار واقعی توابع هدف به ازای یک جواب، از میان جواب‌های موجود در جمعیت که همه با کروموزم‌ها رمز شده‌اند، آن جواب بر اساس رتبه‌ای که در فرآیند رتبه‌بندی کسب می‌کند ارزیابی می‌شود؛ و به این صورت جبهه‌های پرتوی بهینه تشکیل می‌شوند [30].

پس از تشکیل تمام جبهه‌های پرتوی ممکن، فاصله‌ی ازدحامی هر یک از کروموزم‌های متعلق به یک جبهه محاسبه می‌گردد. برای این منظور در هر جهه‌ی پرتو، و به ازای هر کروموزم، فاصله‌ی آن از دو کروموزم کناری خود محاسبه شده و به عنوان فاصله ازدحامی آن کروموزم ذخیره می‌شود. به علاوه آنها که در ابتدا و انتهای هر بازه قرار می‌گیرند دارای فاصله ازدحامی بی‌نهایت خواهند بود. محاسبه‌ی فاصله ازدحامی به انتخاب هر چه بهتر شایسته‌ترین کروموزم (جواب) کمک می‌کند. به این ترتیب جواب بهینه، اولاً متعلق به جبهه‌ی پرتوی با کمترین رتبه است، که شایسته‌ترین جواب‌ها آنچه قرار دارند، و ثانیاً فاصله ازدحامی آن کمتر از بقیه است، زیرا مرکز جواب‌ها که با فاصله ازدحامی کمتر آنها ارزیابی می‌شود، نشان دهنده‌ی نزدیکی به شرایط بهینه است، و این بخت بیشتری برای بقای آنها ایجاد خواهد کرد. در اجرای این الگوریتم از عمل‌گر برداش دو نقطه‌ای استفاده خواهد شد و نرخ برداش و جهش به ترتیب برابر 0.8 و 0.03 منظور می‌شود.

5- ارائه‌ی نتایج و بحث

ابتدا در نرم‌افزار متلب به مدل‌سازی شبکه‌ی چهار سلولی مولد الگوی مرکزی که هر سلول آن با دینامیک غیرخطی موریس - لکار تحول کند و پیوندهای بین سلولی تابع قانون انتشاری باشند، پرداختیم. برخی پارامترهای مربوط به دینامیک داخلی سلول در تولید هر چهار گام اولیه (و نیز گام‌های ثانویه) بدون تغییر مقداردهی شدند که مقادیر آنها در جدول 1 فهرست شده‌اند. مقادیر سایر پارامترهایی که در تولید هر گام به طور مجزا مقداردهی شدند، به همراه مقادیر بهینه‌ی وزن‌های پیوندی برای تولید آن گام که با بهینه‌یابی توسط الگوریتم ژنتیک با مرتب‌سازی نامغلوب به دست آمد، نیز در جدول 2 فهرست شده‌اند. مقادیر اولیه‌ی متغیرهای حالت سلول که در حل عددی دستگاه معادلات حاصل از مدل‌سازی شبکه استفاده شدند، به تفکیک هر یک از گام‌های اولیه، در جدول 3 داده شده است.

شرایط تقارنی متناظر با هر یک از گام‌های اولیه در مقداردهی اولیه به متغیرهای حالت رعایت نشده است، ولی با این حال سیگنال‌های ریتمیک

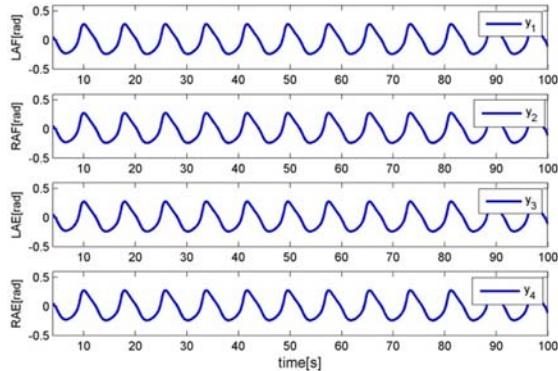


Fig. 6 The 4-cell network output rhythmic signals for 2-legged hop
شکل ۶ سیگنال‌های ریتمیک خروجی از شبکه‌ی چهارسلولی برای پرش دوپا

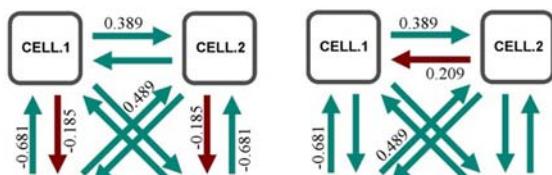
در بیان این روابط $y_1(t)$ و $y_2(t)$ نماینده‌ی دو شکل‌موج متفاوت تولید شده توسط سلول‌های شبکه است. نیم دور خارج از فاز بودن یک سیگنال نیز با منتقال زمان از t به $t + 0.5$ مشخص شده است.

در مقاله‌ی حاضر توانسته‌ایم توسط شبکه‌ی چهارسلولی با دینامیک داخل سلولی مدل موریس - لکار و پیوند بین سلولی نوع انتشاری موفق به تولید سیگنال‌های ریتمیک مولد سه گام ثانویه شویم، شکل ۷. گام‌های جست‌زدن، تاخت‌رفتن و راه‌رفتن آرام توسط شبکه‌ی مفروض به دست آمدند.

جدول ۴ روابط اختلاف فاز بین سیگنال‌های سلولی مولد گام‌های ثانویه

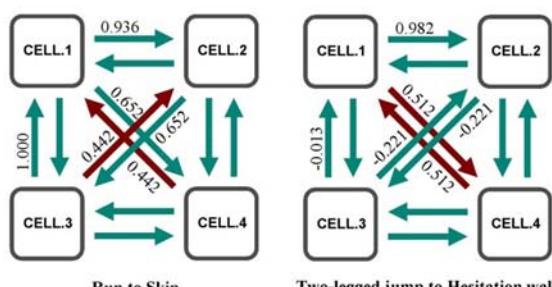
Table 4 Relations of phase difference between the cell's signals generating the secondary gaits

پای راست (RAF, RAE)	پای چپ (LAF, LAE)	نام گام
$(y_1(t + 0.5), y_2(t + 0.5))$	$(y_1(t), y_2(t))$	جست زدن
$(y_2(t), y_2(t + 0.5))$	$(y_1(t), y_1(t + 0.5))$	تاخت رفت
$(y_2(t), y_1(t + 0.5))$	$(y_1(t), y_2(t + 0.5))$	راه رفت آرام
$(y_2(t), y_1(t))$	$(y_1(t), y_2(t))$	پرش نامترن
$(y_2(t), y_2(t))$	$(y_1(t), y_1(t))$	پرش تک‌پا



Walk to Skip

Walk to Gallop



Run to Skip

Two-legged jump to Hesitation walk

Fig. 7 Couplings symmetry breaking via varying some weight values of the couplings between cells in order to gait transition

شکل ۷ شکستن تقارن پیوندی با تغییر برخی مقادیر وزنی پیوندهای بین سلولی جهت گذر از یک گام اولیه به یک گام ثانویه

متضاد با ۶ پاسخ ریتمیک دیگری که می‌توانند توسط شبکه‌ی چهارسلولی تولید شوند، دارای دو شکل‌موج متفاوت می‌باشند. بسته به آنکه کدام یک از جفت سلول‌ها دارای شکل‌موج یکسانی هستند و نیز چه اختلاف فازی بین سیگنال‌های هم‌شکل آنها وجود دارد، ۵ گام حرکتی دوپایی به این ۵ پاسخ از ۶ پاسخ پیش‌بینی شده نسبت داده شده است که عبارتند از: جست زدن، تاخت رفت، راه رفت آرام، پرش نامترن و پرش تک‌پا. برای تولید این گام‌ها می‌باید برخی وزن‌های پیوندی را با سعی و خطأ تغییر دهیم و تلاش کنیم تا یک رابطه‌ی مطلوب بین اختلاف فاز سیگنال‌های ریتمیک با شکل‌موج واحد، مطابق با آنچه برای یک گام مفروض تعریف شده است، حاصل شود.

روابط مطلوب اختلاف فاز بین سیگنال‌های سلولی مولد گام‌های ثانویه، مطابق آنچه در مرجع [25] عنوان شده است، در جدول ۴ مشاهده می‌شود.

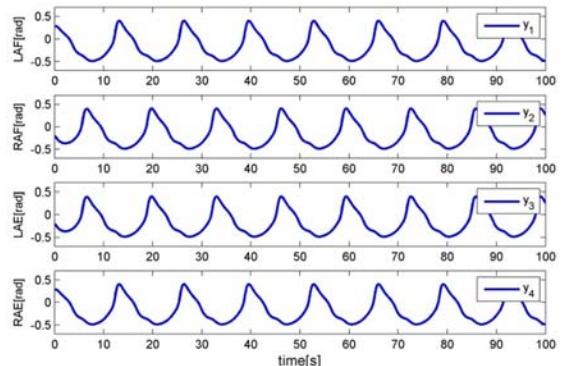


Fig.3 The 4-cell network output rhythmic signals for walk
شکل ۳ سیگنال‌های ریتمیک خروجی از شبکه‌ی چهارسلولی برای راه رفت

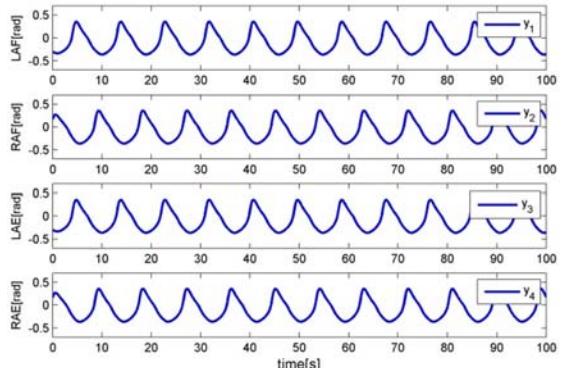


Fig. 4 The 4-cell network output rhythmic signals for run
شکل ۴ سیگنال‌های ریتمیک خروجی از شبکه‌ی چهارسلولی برای دویدن

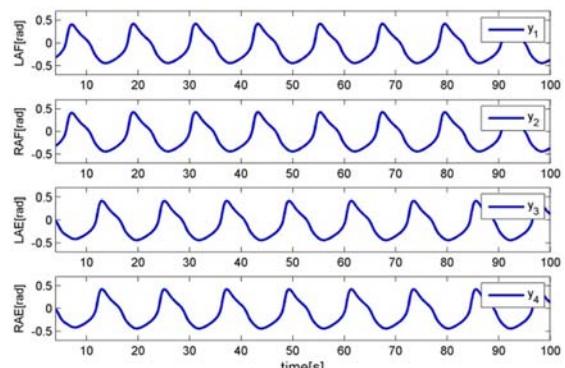
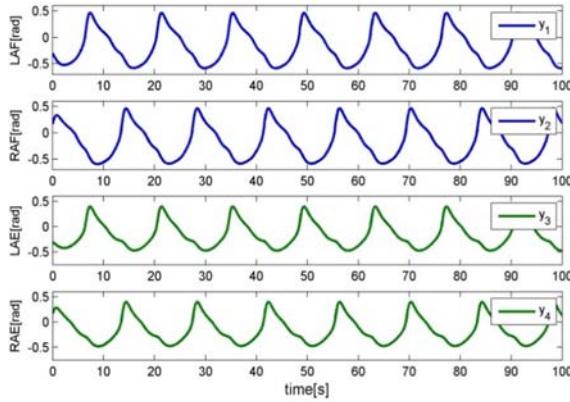
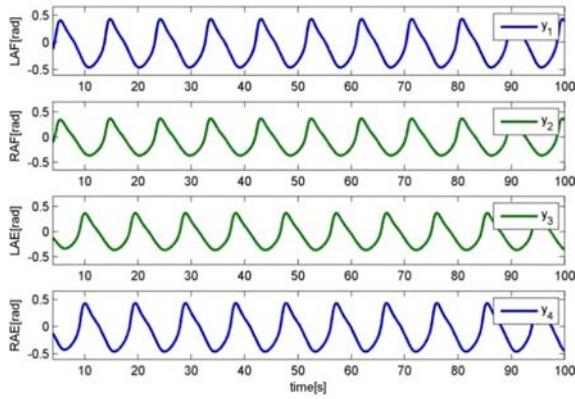


Fig. 5 The 4-cell network output rhythmic signals for 2-legged jump
شکل ۵ سیگنال‌های ریتمیک خروجی از شبکه‌ی چهارسلولی برای جهش دوپا



شکل ۱۰ سیگنال‌های ریتمیک حاصل از گذر گام از دوپایی به جست زدن



شکل ۱۱ سیگنال‌های ریتمیک حاصل از گذر گام از جهش دوپایی به راه رفتن آرام

برای توضیح آنکه شکستن تقارن‌های پیوندی چگونه موجب از بین رفتن تقارن در الگوی پاسخ‌های ریتمیک شبکه‌ی چهار سلولی می‌شود، برای نمونه، به سیگنال‌های مولد جست زدن که به موجب گذر از گام اولیه راه رفتن حاصل شد، توجه می‌کنیم. با توجه به شکل ۸ در می‌باییم جفت سلول‌هایی که نسبت به خط تقارن عمودی در شبکه روپروری هم قرار می‌گیرند دارای شکل موج یکسان هستند و تنها یک اختلاف فاز نیم دور تناوبی با هم دارند. ولی آنها یکی که نسبت به خطوط تقارن افقی یا قطری در شبکه روپرور هستند از اساس شکل موج متفاوت دارند و هیچ گاه اطباق آنها ممکن نخواهد بود.

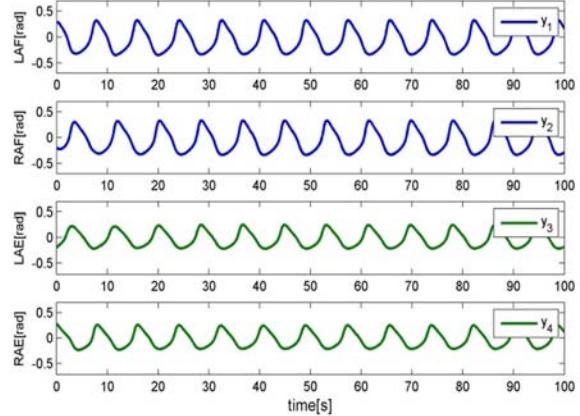
با این توضیح می‌توان دو نوع توصیف تقارنی برای سیگنال‌های ریتمیک تولید شده توسط سلول‌های شبکه ارائه داد. نوع اول، تقارن مکانی- زمانی است که در آنجا یک جفت سلول متقابل نسبت به خط تقارن تنها در گام‌های اولیه هم دارای فاز برابر (زمانی). بنابراین این نوع از تقارن تنها در گام‌های اولیه امکان وقوع خواهد داشت. نوع دوم، تقارن مکانی است که در آنجا یک جفت سلول متقابل نسبت به خط تقارن مفروض سیگنال‌هایی تولید می‌کنند که تنها دارای شکل موج یکسان هستند. پس اگر یک جفت سلول تقارن مکانی داشته باشد با یک انتقال زمانی می‌توان سیگنال‌های خروجی آنها را بر هم منطبق کرد. می‌توان گفت تمامی گام‌های اولیه دارای تمام تقارن‌های مکانی در هر سه جهت افقی، عمودی و قطری هستند.

چند قاعده‌ی زیر جهت نمادگذاری تقارن‌های موجود در گام‌های دوپایی تعریف می‌شوند [25]:

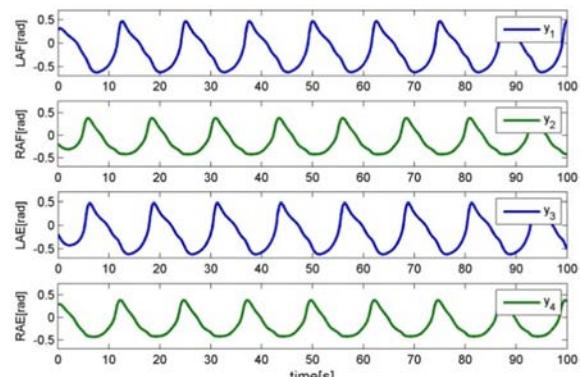
گام جست زدن با گذر از گام اولیه راه رفتن با شکستن تقارن پیوندی در جهت عمودی، و نیز با گذر از گام اولیه دوپایی با شکستن تقارن پیوندی در جهت قطری حاصل شده است. گام تاخت رفتن تنها با گذر از گام اولیه راه رفتن با شکستن تقارن پیوندی در جهت افقی حاصل شد. بنا به پیش‌بینی مرجع [25] تولید گام تاخت رفتن با شکستن تقارن افقی در گام اولیه جهش دوپایی نیز امکان‌پذیر خواهد بود، که در این پژوهش موفق به آن نشدیم. به علاوه، گام‌های ثانویه‌ی پرس نامتقارن و پرس تک‌پا نیز توسط شبکه‌ی چهار سلولی طراحی شده در این مقاله قابل حصول نبودند.

یکی از نوآوری‌های اصلی این مقاله امکان تولید سیگنال‌های ریتمیک مولد گام ثانویه‌ی راه رفتن آرام می‌باشد که با گذر از گام اولیه جهش دوپایی با شکستن تقارن پیوندی در جهت قطری بدست آمد. با این حال، مرجع [25] امکان تولید این گام را با گذر از گام اولیه دوپایی با شکستن تقارن پیوندی در جهت افقی نیز پیش‌بینی می‌کند، که با مدل شبکه‌ی چهار سلولی مفروض در این مقاله حاصل نشد.

آن سیگنال‌های ریتمیک مولد گام‌های ثانویه که در این مطالعه موفق به تولید آنها در نتیجه‌ی شکستن تقارن پیوندی در شبکه‌ی چهار سلولی متقابل و ایجاد گذر در گام‌های اولیه شدیم به ترتیب در شکل‌های ۸ تا ۱۱ نشان داده شده است. رنگ‌های آبی و سبز به جهت تأکید بر وجود دو شکل موج متفاوت استفاده شده است. همچنین روابط اختلاف فاز بین سیگنال‌های تولید شده توسط سلول‌های متناظر با گروه‌های ماهیچه‌ای خمکننده و بازکننده قوزک پاهای چپ و راست از روابط داده شده در جدول ۴ تبعیت می‌کند.



شکل ۸ سیگنال‌های ریتمیک حاصل از گذر گام از راه رفتن به جست زدن



شکل ۹ سیگنال‌های ریتمیک حاصل از گذر گام از راه رفتن به تاخت رفتن

- movements, *Current biology*, Vol. 11, No. 23, pp. R986-R996, 2001.
- [5] P. A. Guérin, The mammalian central pattern generator for locomotion, *Brain Research Reviews*, Vol. 62, No. 1, pp. 45-56, 2009.
- [6] S. Aoi, Y. Egi, R. Sugimoto, T. Yamashita, S. Fujiki, K. Tsuchiya, Functional roles of phase resetting in the gait transition of a biped robot from quadrupedal to bipedal locomotion, *Robotics, IEEE Transactions on*, Vol. 28, No. 6, pp. 1244-1259, 2012.
- [7] G. Aguirre-Ollinger, Exoskeleton control for lower-extremity assistance based on adaptive frequency oscillators: Adaptation of muscle activation and movement frequency, *Proceedings of the Institution of Mechanical Engineers, Part H: Journal of Engineering in Medicine*, Vol. 229, No. 1, pp. 52-68, 2015.
- [8] X. Zhang, M. Hashimoto, Evaluation on interaction ability of a walking robotic suit with synchronization based control, in *Proceedings of Robotics and Biomimetics, IEEE*, pp. 265-270, 2010.
- [9] G. Taga, A model of the neuro-musculo-skeletal system for human locomotion, *Biological cybernetics*, Vol. 73, No. 2, pp. 97-111, 1995.
- [10] G. Endo, J. Morimoto, T. Matsubara, J. Nakanishi, G. Cheng, Learning CPG-based biped locomotion with a policy gradient method: Application to a humanoid robot, *The International Journal of Robotics Research*, Vol. 27, No. 2, pp. 213-228, 2008.
- [11] J. J. Collins, S. A. Richmond, Hard-wired central pattern generators for quadrupedal locomotion, *Biological Cybernetics*, Vol. 71, No. 5, pp. 375-385, 1994.
- [12] Y. Fukuoka, H. Kimura, A. H. Cohen, Adaptive dynamic walking of a quadruped robot on irregular terrain based on biological concepts, *The International Journal of Robotics Research*, Vol. 22, No. 3-4, pp. 187-202, 2003.
- [13] J. Buchli, A. J. Ijspeert, Self-organized adaptive legged locomotion in a compliant quadruped robot, *Autonomous Robots*, Vol. 25, No. 4, pp. 331-347, 2008.
- [14] A. Crespi, D. Lachat, A. Pasquier, A. J. Ijspeert, Controlling swimming and crawling in a fish robot using a central pattern generator, *Autonomous Robots*, Vol. 25, No. 1-2, pp. 3-13, 2008.
- [15] X. Wu, S. Ma, CPG-based control of serpentine locomotion of a snake-like robot, *Mechatronics*, Vol. 20, No. 2, pp. 326-334, 2010.
- [16] J.-K. Ryu, N. Y. Chong, B. J. You, H. I. Christensen, Locomotion of snake-like robots using adaptive neural oscillators, *Intelligent Service Robotics*, Vol. 3, No. 1, pp. 1-10, 2010.
- [17] X. Wu, L. Teng, W. Chen, G. Ren, Y. Jin, H. Li, CPGs With Continuous Adjustment of Phase Difference for Locomotion Control, *International Journal of Advanced Robotic Systems*, Vol. 10, 2013.
- [18] C. Liu, Q. Chen, D. Wang, CPG-inspired workspace trajectory generation and adaptive locomotion control for quadruped robots, *Systems, Man, and Cybernetics, Part B: Cybernetics, IEEE Transactions on*, Vol. 41, No. 3, pp. 867-880, 2011.
- [19] C. Liu, D. Wang, Q. Chen, Central pattern generator inspired control for adaptive walking of biped robots, *Systems, Man, and Cybernetics: Systems, IEEE Transactions on*, Vol. 43, No. 5, pp. 1206-1215, 2013.
- [20] J. Cristiano, D. Puig, M. A. García, Locomotion control of a biped robot through a feedback CPG network, *Proceeding of ROBOT2013*, Springer, pp. 527-540, 2013.
- [21] J. Cristiano, D. Puig, M. García, Efficient locomotion control of biped robots on unknown sloped surfaces with central pattern generators, *Electronics Letters*, Vol. 51, No. 3, pp. 220-222, 2015.
- [22] C. Liu, Q. Chen, Methods Synthesis of Central Pattern Generator Inspired Biped Walking Control, *Proceeding of Chinese Intelligent Automation*, Springer, pp. 371-379, 2015.
- [23] J.-J. Kim, J.-W. Lee, J.-J. Lee, Central pattern generator parameter search for a biped walking robot using nonparametric estimation based particle swarm optimization, *International Journal of Control, Automation and Systems*, Vol. 7, No. 3, pp. 447-457, 2009.
- [24] M. Oliveira, V. Matos, C. P. Santos, L. Costa, Multi-objective parameter CPG optimization for gait generation of a biped robot, in *Proceeding of Robotics and Automation, IEEE*, pp. 3130-3135, 2013.
- [25] C. M. Pinto, M. Golubitsky, Central pattern generators for bipedal locomotion, *Journal of mathematical biology*, Vol. 53, No. 3, pp. 474-489, 2006.
- [26] M. Golubitsky, I. Stewart, P.-L. Buono, J. Collins, A modular network for legged locomotion, *Physica D: Nonlinear Phenomena*, Vol. 115, No. 1, pp. 56-72, 1998.
- [27] P.-L. Buono, M. Golubitsky, Models of central pattern generators for quadruped locomotion I. Primary gaits, *Journal of Mathematical Biology*, Vol. 42, No. 4, pp. 291-326, 2001.
- [28] C. M. Pinto, A. P. Santos, Modelling gait transition in two-legged animals, *Communications in Nonlinear Science and Numerical Simulation*, Vol. 16, No. 12, pp. 4625-4631, 2011.
- [29] K. Deb, S. Agrawal, A. Pratap, T. Meyarivan, A fast elitist non-dominated sorting genetic algorithm for multi-objective optimization: NSGA-II, *Parallel Problem Solving from Nature PPSN VI*, Springer, pp. 849-858, 2000.
- [30] A. Konak, D. W. Coit, A. E. Smith, Multi-objective optimization using genetic algorithms: A tutorial, *Reliability Engineering & System Safety*, Vol. 91, No. 9, pp. 992-1007, 2006.

جدول 5 تقارن‌های موجود در پاسخ‌های ریتمیک مولد گام‌های دوپایی

		پاسخ‌های ریتمیک سلولی	نام گام
H	K		
D	$\rho-\tau$	$(y_1(t), y_1(t+0.5), y_1(t+0.5), y_1(t))$	راه رفتن
D	τ	$(y_1(t), y_1(t+0.5), y_1(t), y_1(t+0.5))$	دوپیدن
D	ρ	$(y_1(t), y_1(t), y_1(t+0.5), y_1(t+0.5))$	جهش دوپا
D	D	$(y_1(t), y_1(t), y_1(t), y_1(t))$	پرش دوپا
ρ	I	$(y_1(t), y_1(t+0.5), y_2(t), y_2(t+0.5))$	جست زدن
τ	I	$(y_1(t), y_2(t), y_1(t+0.5), y_2(t+0.5))$	تاخت رفتن
$\rho-\tau$	I	$(y_1(t), y_2(t), y_2(t+0.5), y_1(t+0.5))$	راه رفتن آرام

(1) تقارن مکانی-زمانی در هر جهتی را با نماد K نشان دهیم.

(2) تقارن مکانی در هر جهتی را با نماد H نشان دهیم.

(3) تقارن در جهت عمودی را با نماد ρ , در جهت افقی را با نماد τ , در جهت قطری را با نماد $\rho-\tau$ با نشان دهیم.

(4) وجود تقارن در تمام جهات را با D و عدم تقارن در تمام جهات را با I نشان دهیم.

به این صورت شرایط تقارنی شبکه که منجر به تولید پاسخ‌های ریتمیک مولد گام‌های دوپایی می‌شود، و با تئوری ارائه شده توسعه پینتو و گلابیتسکی [25] موسوم به H/K پیش‌بینی شده است، با قواعد نمادگذاری تعریف شده، در جدول 5 فهرست می‌شوند.

6- نتیجه گیری

در این مقاله، مدل شبکه‌ی مولد الگوی مرکزی چهار سلولی، الهام گرفته شده از علوم زیستی، با دینامیک سلولی مبتنی بر نوسان گر غیرخطی موریس - لکار و پیوندهای بین سلولی نوع انتشاری، به منظور تولید الگوهای ریتمیک متناظر با گام‌های دوپایی ارائه شد. خروجی این مدل شامل چهار سیگنال ریتمیک بود که به عنوان پیام‌های عصبی برای تحریک ماهیچه‌های خم و بازنده‌ی مفاصل قوزک پاهای چپ و راست تولید می‌شندن. گام‌های دوپایی بر اساس شکل‌موج سیگنال‌های ریتمیک تولیدی سلول‌ها به دو دسته‌ای اولیه و ثانویه تقسیم شدند. در مرحله‌ی اول یک مساله‌ی بهینه‌سازی برای یافتن وزن‌های پیوندی بهینه، که باعث تولید اختلاف فاز مطلوب بین سیگنال‌های سلولی می‌گردد، طراحی شد. با حل این مساله با استفاده از یک الگوریتم زنگین با مرتب‌سازی نامغلوب چهار گام اولیه‌ی ممکن تولید شدند. در مرحله‌ی دوم برخی وزن‌های پیوندی به روش سعی و خطأ تغییر داده شد تا با دوشاخگی حاصل از شکستن تقارن امکان گذر گام به یک گام ثانویه فراهم آید. به این صورت سه گام ثانوی جست زدن (با گذر گام از دوپیدن و نیز راه رفتن)، تاخت رفتن (با گذر از راه رفتن) و مهم‌تر از آنها «راه رفتن آرام» (با گذر از جهش دوپا) تولید شدند. شایان ذکر است که در پژوهش‌های قبلی مکان تولید گام راه رفتن آرام با گذر از هیچ گام اولیه‌ای میسر نشده بود [28].

7- مراجع

- A. J. Ijspeert, Central pattern generators for locomotion control in animals and robots: A review, *Neural Networks*, Vol. 21, No. 4, pp. 642-653, 2008.
- Q. Wu, C. Liu, J. Zhang, Q. Chen, Survey of locomotion control of legged robots inspired by biological concept, *Science in China Series F: Information Sciences*, Vol. 52, No. 10, pp. 1715-1729, 2009.
- D. M. Wilson, The central nervous control of flight in a locust, *Journal of Experimental Biology*, Vol. 38, No. 47, pp. 1-490, 1961.
- E. Marder, D. Bucher, Central pattern generators and the control of rhythmic